



Уважаемые читатели!

В текущем выпуске представлены итоги исследований, которые могут быть интересны для применения в селекционных программах, направленных на улучшение качества зерновых культур. Так, в публикуемой работе И.А. Кибкало с соавторами предложены новые системы оценки технологических свойств зерна овса и новая методика седиментационного анализа для крупяных культур. В работе В.С. Попова с соавторами описан экспресс-метод для предварительной оценки селекционного материала овса по биохимическим показателям. В статье О.В. Солодухиной обобщены принципы селекции низкопентозановой ржи. Особенность предложенных подходов во всех перечисленных работах – адаптированность для быстрого и недорогого анализа большого количества образцов, что важно в работе как с селекционным, так и с коллекционным материалом.

В публикации Е.А. Крыловой с соавторами представлены итоги исследования контрастных по типу роста образцов вигны в различных эколого-географических условиях. Результаты исследования представляют интерес для дальнейшего создания новых сортов этой культуры, устойчивых к повышенной влажности воздуха и пригодных к механизированной уборке. Это открывает потенциал для более широкого возделывания вигны на Дальнем Востоке. Применение методов анализа полиморфизма ДНК позволяет в применении к той или иной культуре уточнять степень генетического сходства образцов различного происхождения. В применении к культурным растениям чаще всего для этой цели используют микросателлитный анализ. Как например,

в представленной работе Ф.А. Беренсена, направленной на изучение генетической структуры стержневой коллекции репы. Вместе с тем, при помощи микросателлитных маркеров затруднен анализ образцов семян, найденных при проведении археологических экспедиций, что обусловлено деградацией так называемой древней ДНК. В этом случае анализ полиморфизма осуществляют путем секвенирования отдельных участков деградировавшей ДНК, что позволяет выявлять SNP (single nucleotide polymorphism – однонуклеотидный полиморфизм) и применять данные по ним для установления генетического сходства древних образцов с современными. Т.В. Семилет с соавторами исследовала SNP в локусах, связанных с адаптацией ячменя к условиям окружающей среды, сравнивая выборки семян из археологических раскопов XII века на территории Псковской области и образцы из коллекции ячменя ВИР различного географического происхождения. Результаты этой работы также представлены в настоящем выпуске.

Уважаемые читатели, состоялось знаменательное для генетиков и селекционеров нашей страны событие – с 14 по 19 июня 2024 года в Саратове проходил VIII съезд Вавиловского общества генетиков и селекционеров, посвященный 300-летию Российской науки и высшей школы. Участниками Съезда стали более 700 исследователей из России и дружественных зарубежных стран. Избран новый Президент ВОГиС на следующий 5-летний срок, им стал академик РАН А.В. Кочетов. Мы публикуем в текущем номере журнала статью о прошедшем съезде, обобщающую сведения как о самом мероприятии (с представлением его резолюции), так и о деятельности ВОГиС за последние 5 лет.

Дорогие друзья, редакция журнала поздравляет с юбилеем Почетного Президента Вавиловского общества генетиков и селекционеров, члена Академического совета ВИР, академика РАН С.Г. Инге-Вечтомова. В настоящем выпуске журнала представлена статья, посвященная научной и организационной деятельности юбиляра. Желаем Сергею Георгиевичу крепкого здоровья, долгих лет жизни, бодрости, сил, а его научной школе – процветания и успешного развития!

*Главный редактор,
профессор РАН
Е.К. Хлесткина*